

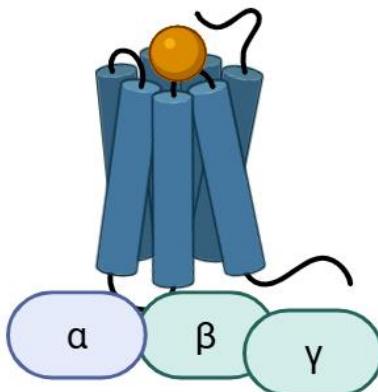
Metabotropni receptorji



Seminarska naloga pri predmetu Biološke membrane
Zara Bunc, Zarja Doberšek, Živa Flego, Tinkara Korošec, Teo Trost

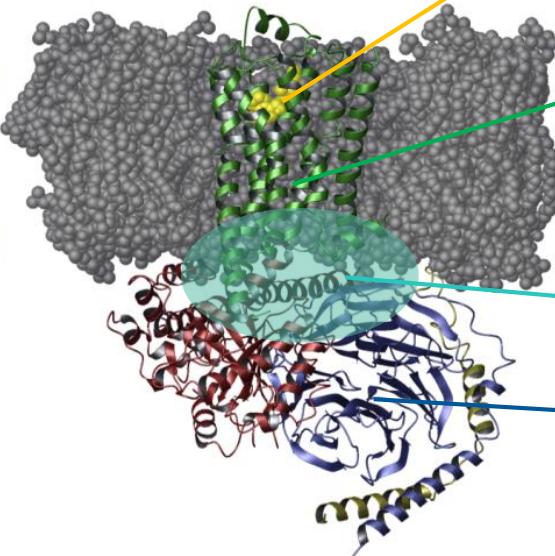
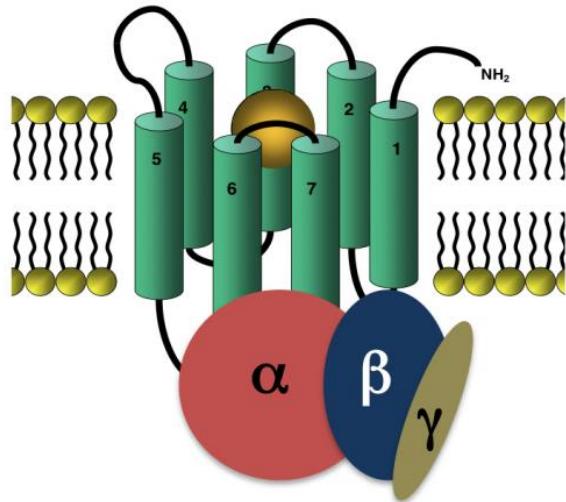
BMA Biokemija
maj 2025

GPCR - Evolucija



- Ohranjeni tako pri preprostih enoceličnih evkariontih kot tudi pri kompleksnejših živalih
 - Največja ekspanzija pri živalih (5 skupin)
- TM domena s sedmimi vijačnicami se med evolucijo večkrat neodvisno pojavi
- G-proteini so strukturno bolj ohranjeni od receptorjev

Z G-proteini sklopljeni receptorji (GPCR)



LIGANDI

- hormoni
- nevrotransmiterji
- kemokini

GPCR

- 7 transmembranskih vijačnic (TMV)
- aktivacija → premik TMV6

TMV3, 5, 6 in 7 = vezavno mesto za G-protein

G-proteini

- 3 podenote - α, β, in γ
- 2 funkcionalni enoti - G_a in G_{βγ}

Aktivacija in deaktivacija G-proteinov

vezan GTP

vezan GDP

deformira vezavno mesto za nukleotid

GEF

2. vezava G-proteina in izmenjava $GDP \rightarrow GTP$

1. vezava liganda in konformacijska sprememba GPCR

3. konformacijska sprememba G-proteina, ločitev podenot

5. združitev podenot v neaktiven G-protein

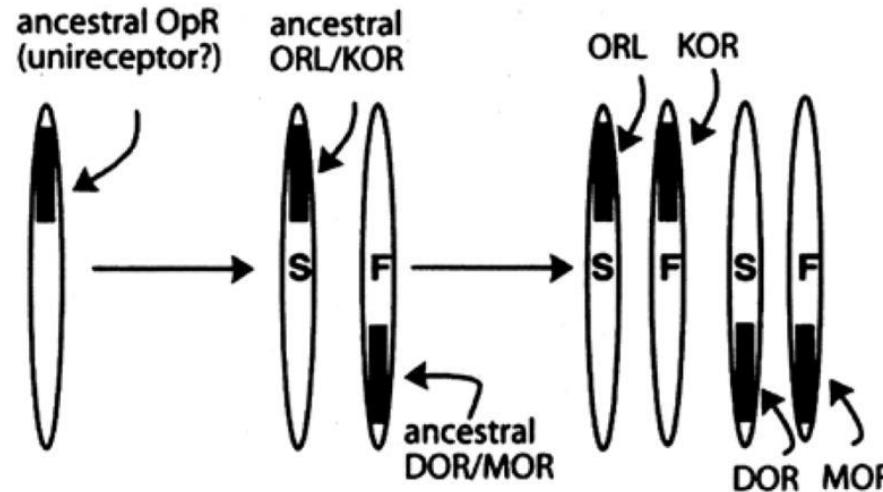
4. podenota α = GTPaza hidroliza $GTP \rightarrow GDP$

GAP stabilizira katalitično domeno za hidrolizo

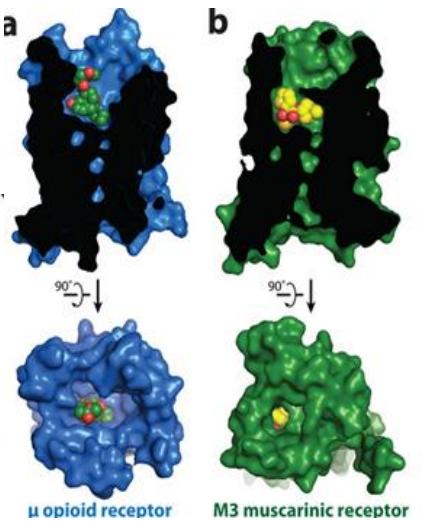
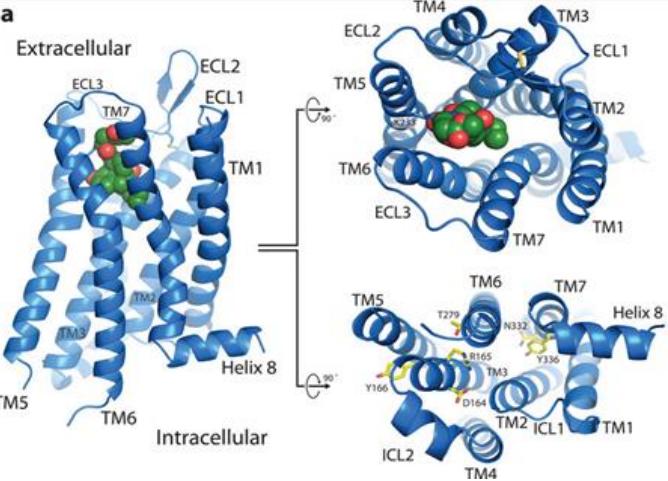
Opioidni receptor - Evolucija



- 4 geni – 4 genomske regije s skupnim izvorom
- Nastanek z dvema duplikacijama celotnega genoma med evolucijo živali
- Visoka homologija med AK zaporednji 4 tipov receptorjev

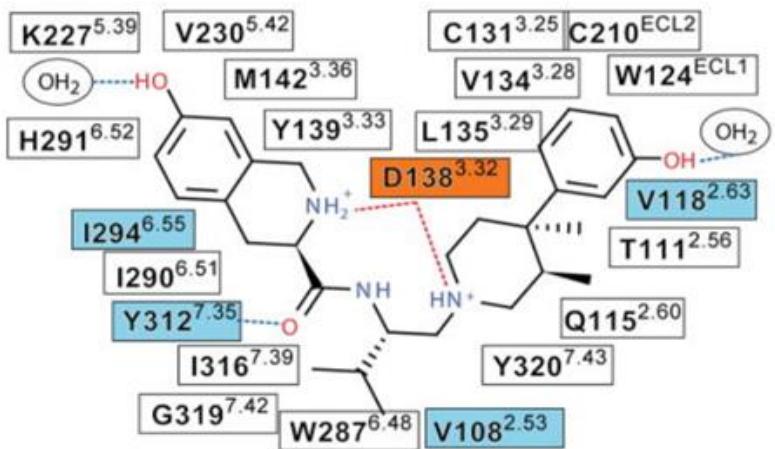
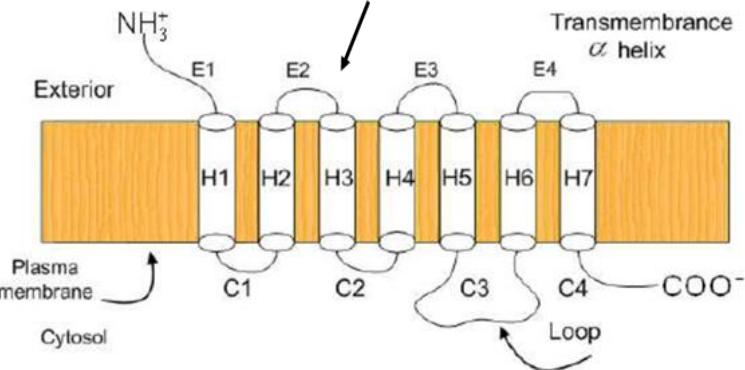


Opioidni receptor – Struktura (μ)



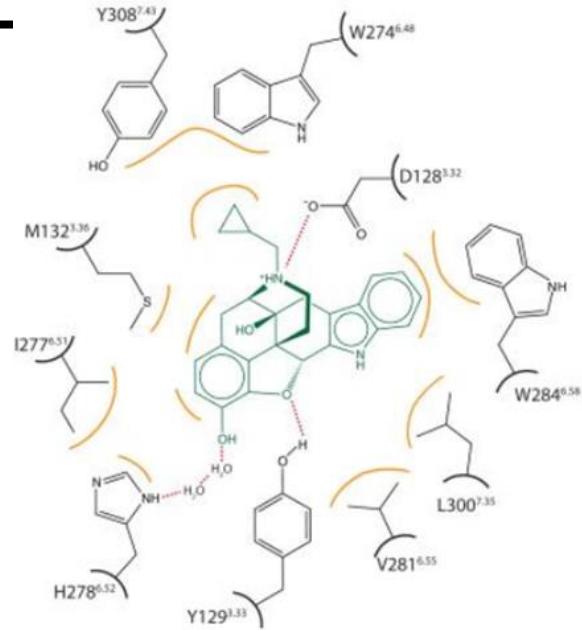
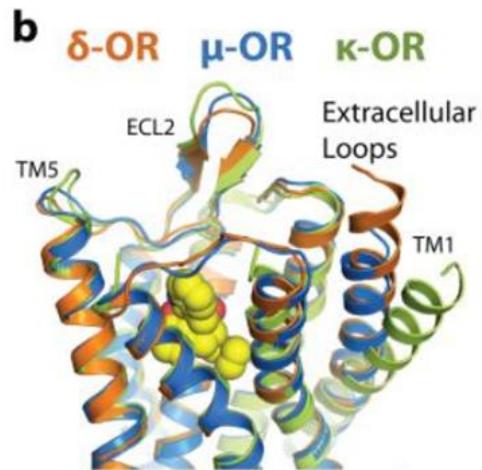
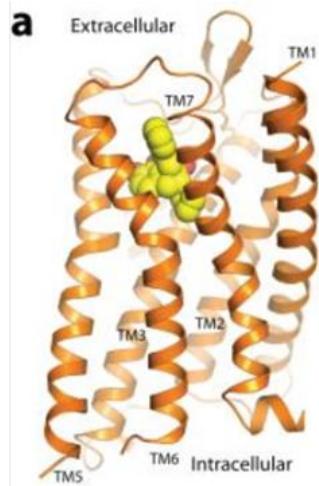
- 7 TM + 3 ECL + 3 ICL
- hidrofobne interakcije + vodikove vezi (Tyr/H₂O)
- ligand-vezavno mesto je delno zakopano
 - Razpolovne dobe:
 - etorfin < 1 min;
 - alvimopan = 30 min
 - tiotropij = 37 h
(pri muskarinskih receptorjih M₂/M₃)
- β -FNA (β -Funaltreksamin)

Opioidni receptor – Struktura (κ)



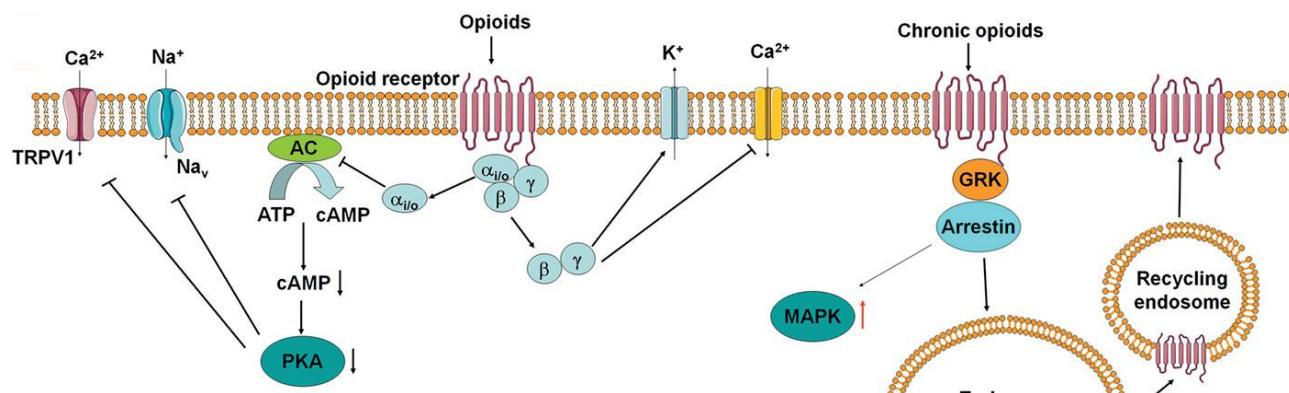
- osma in deveta vijačnica intracelularno
- samo en disulfidni mostiček (Cys131 – Cys210)
- za GPCR je značilno zaporedje Asp/Glu – Arg – Tyr
- Arg (TM3) + kisla ak (TM6) = solni mostiček („ionic lock“)
- Arg (TM3) + Thr (TM6) = vodikova vez
- JDTic ligand

Opioidni receptor – Struktura (δ)



- brez strukturnih posebnosti
- naltrindol

Opioidni receptor - Biokemija



signalna pot preko G-proteinov: ↓cAMP

- Ca²⁺ ne vstopa
- K⁺ povečano izhaja
- inhibicija SNARE

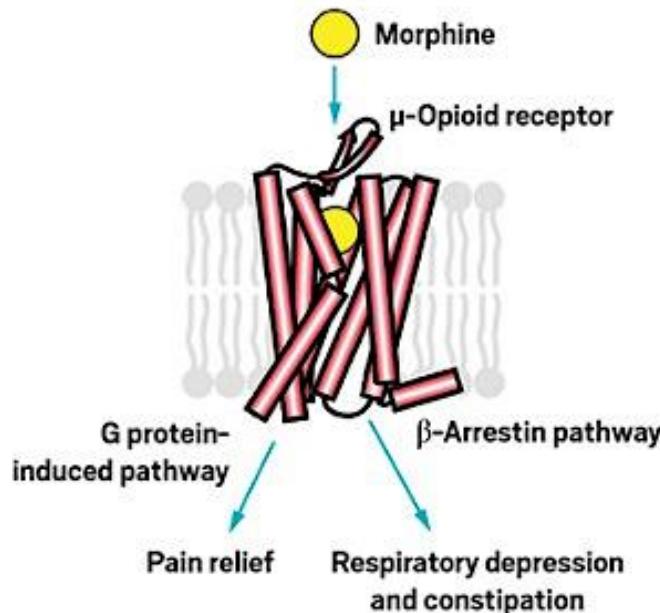
zmanjša presinaptično sproščanje
nevrotransmitorjev → ANALGEZIJA

signalna pot preko β-arestinov:

- upad občutljivosti receptorjev
- odstranitev receptorjev z membrane z internalizacijo
- signalizacija z ERK, MAPK, JNK

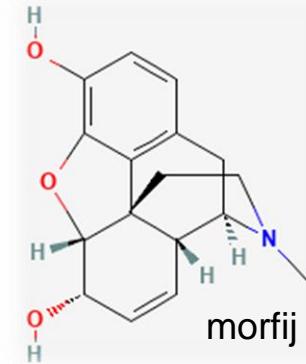
uravnavata signalizacijo z
GPCR-ji in preprečuje
prekomerni celični odziv nanjo

Opioidni receptor - Fiziologija

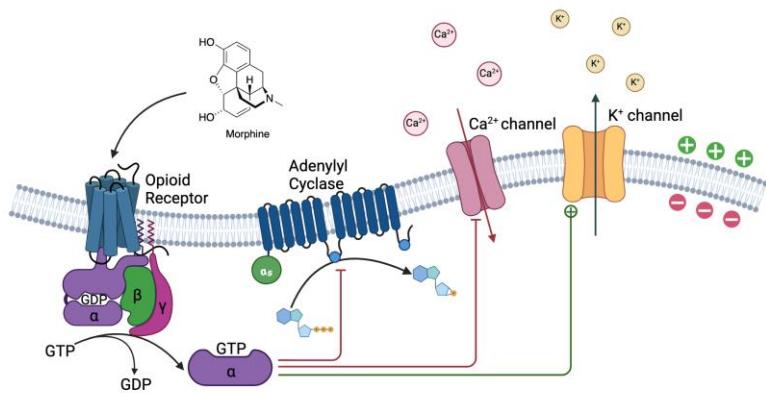


Fiziološke vloge opioidnih receptorjev:

- uravnavanje **bolečine** (*morfij*)
– potencialen razvoj **odvisnosti**
- zmanjševanje **stresa in čustvene bolečine**
- uravnavanje **imunskega sistema** (predvsem imunosupresija)
- vpliv na **gastrointestinalni trakt** (zaprtost)
- **depresija dihanja** (razlog za smrt pri prevelikih odmerkih)



Opioidni receptor - Patofiziologija



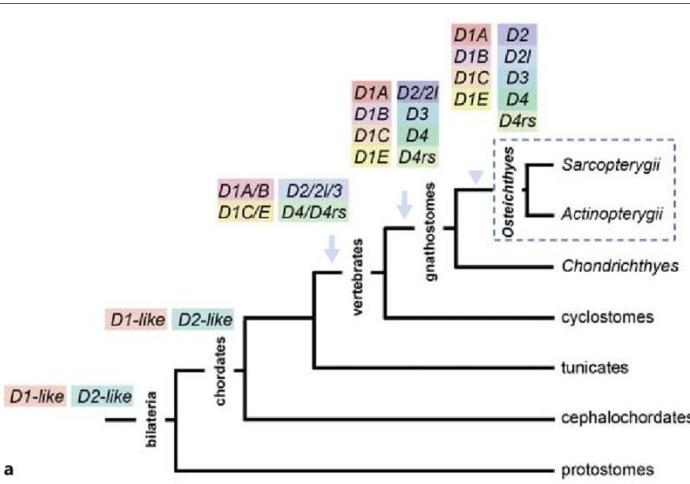
Vloga pri odvisnosti:

- Predvsem vpliv na μ opioidnih receptorjev
- Inhibicija adenilatne ciklaze
- Odprtje K⁺ kanalov
- Inhibicija Ca²⁺ kanalov
- Inhibirano sproščanje GABA
- Poveča se sproščanje dopamina v centru za ugodje

Pri odvisnosti se zaradi prekomerne stimulacije število receptorjev ↓

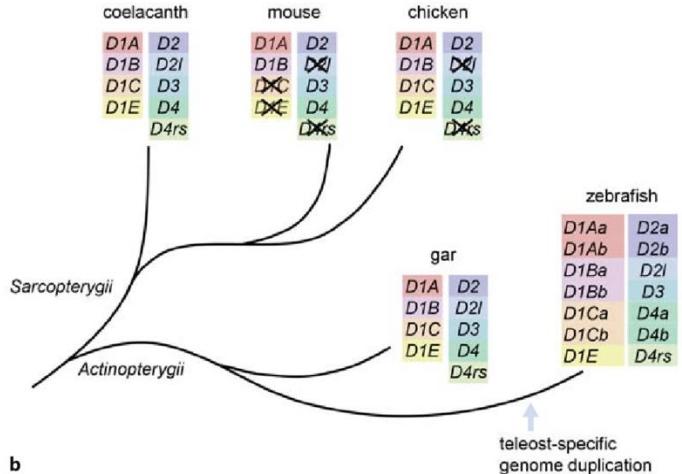
Sčasoma pride do pojava tolerance

Študije: vpliv genetike na tveganje in razvoj odvisnosti:
primer gen OPRM1



a

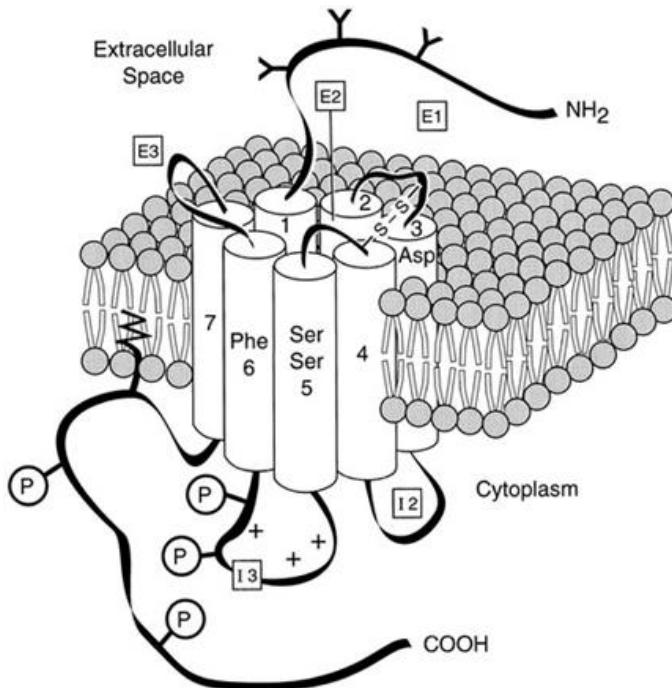
b



Dopaminski receptor - Evolucija

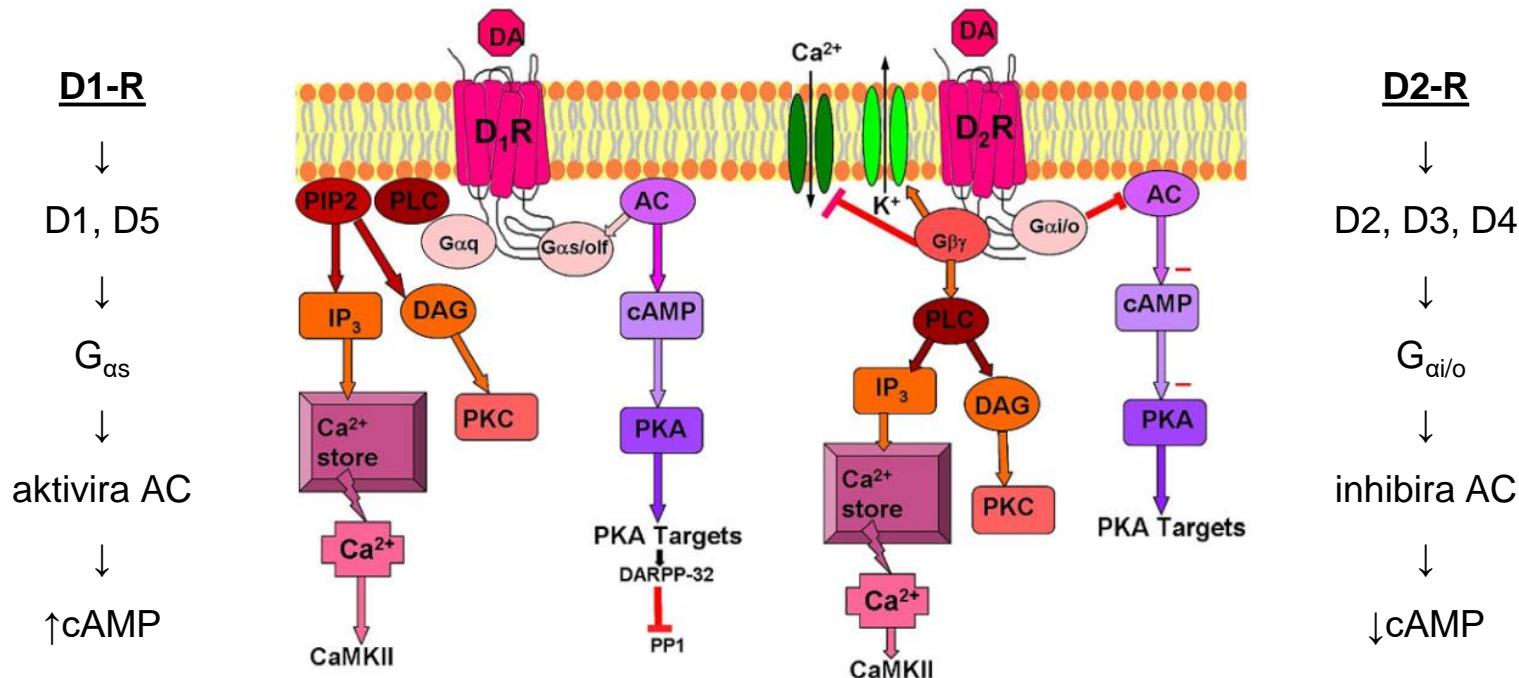
- Veliko komponent dopaminskega sistema je prisotnih tudi pri drugih monoaminergičnih sistemih
- dve skupini: D₁ in D₂
 - Nič bolj sorodni med sabo kot z drugimi monoaminergičnimi receptorji
 - Sposobnost vezave dopamina se neodvisno pojavi dvakrat – konvergentni razvoj
 - Pojav podtipov z duplikacijami genov med evolucijo vretenčarjev

Dopaminski receptor - Struktura

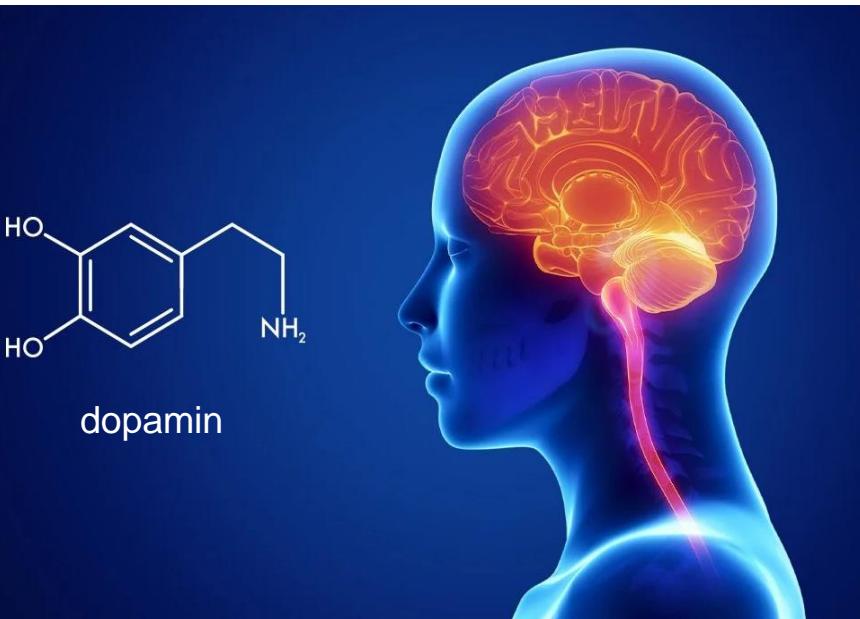


- D1-podobni receptorji (D1, D5)
 - 2 glikozilacijski mesti na N-koncu
 - 7x daljši C-konec
 - ohranjen Cys na začetku C-konca
- D2-podobni receptorji (D2, D3, D4)
 - x glikozilacijskih mest na N-koncu
 - ohranjen Cys na koncu C-konca

Dopaminski receptor - Biokemija



Dopaminski receptor - Fiziologija

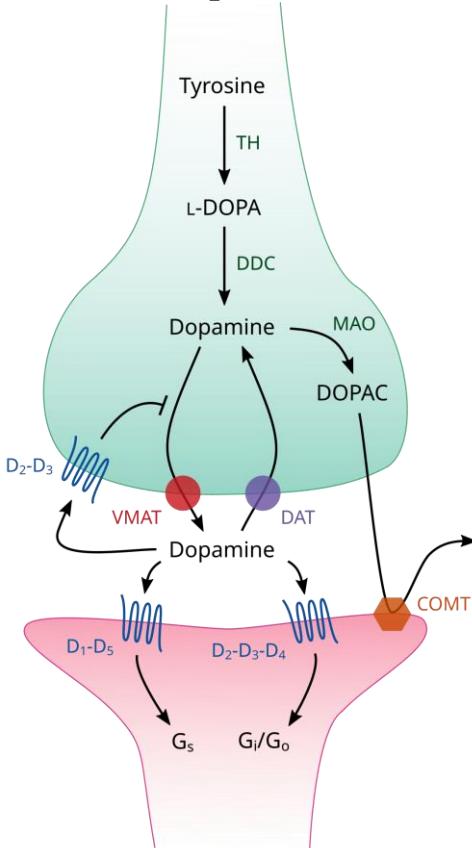


<https://www.psychologs.com/the-role-of-dopamine-in-the-mind/>

Fiziološke vloge dopaminskih receptorjev:

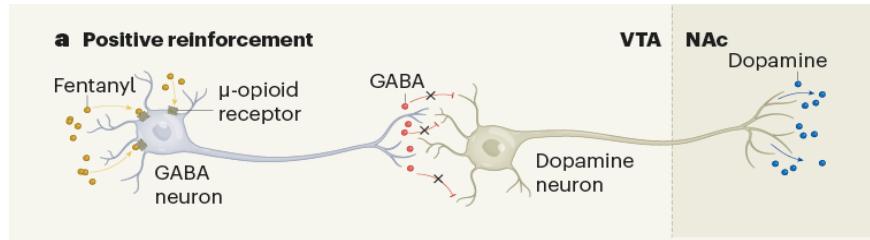
- uravnavanje **motoričnih funkcij**
(prostovoljno gibanje)
- **učenje in spomin**
(nagrajevanje in spodbujevalno učenje)
- uravnavanje **počutja in čustovanja**
prek vpliva na **cirkadiani ritem**
- endokrina oz. **hormonska** regulacija
- inhibicija pretirane intenzitete **vonja**

Dopaminski receptor - Patofiziologija



Vloga pri odvisnosti:

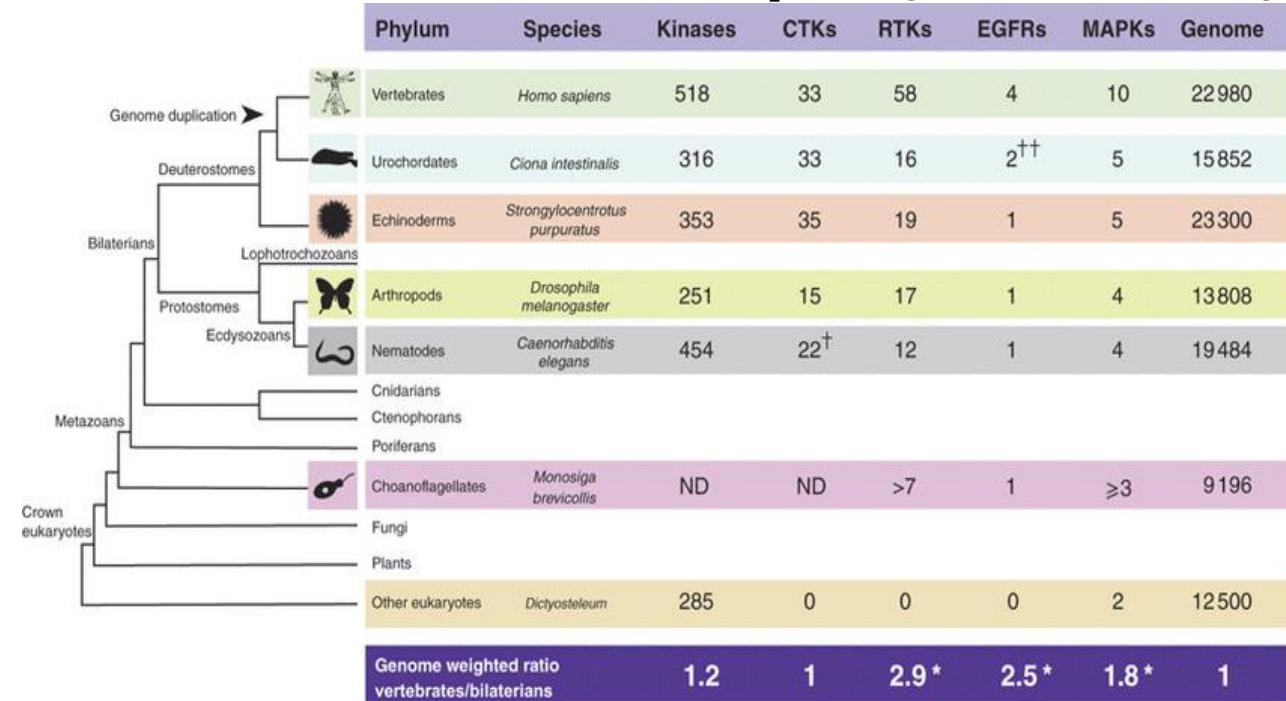
- ↓ površinska ekspresija receptorjev
- Pomembni so D₂ zaradi visoke afinitete vezave z dopaminom



Dobra tarča tudi pri ostalih patoloških procesih:

- Predvsem D₂
- Parkinsonova bolezen - ↓ dopamin
- Shizofrenija - ↑ dopamin - ↑ dopaminski receptorji
 - Primera zdravil: klozapin in kvetiapin

Tirozin kinazni receptorji - Evolucija



* $P < 1 \times 10^{-4}$

- Prvi tirozin kinazni receptorji: fuzija epidermalnemu rastnemu faktorju podobne domene in citoplazemske tirozinske kinaze pred pojavom živali
- Med evolucijo živali se število genov in njihova raznolikost močno poveča
- Duplikacije celotnega genoma in posameznih genov

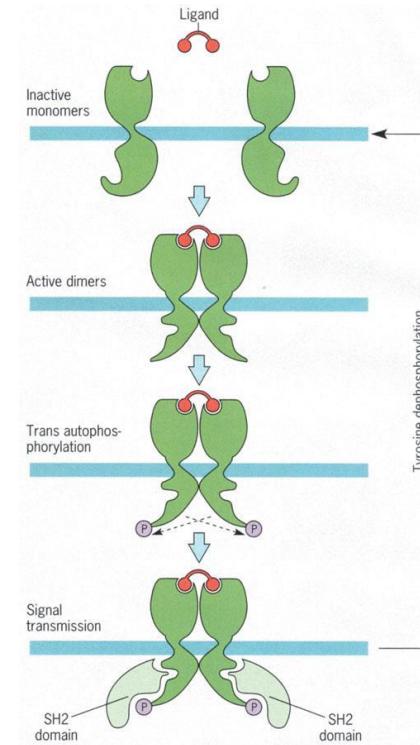
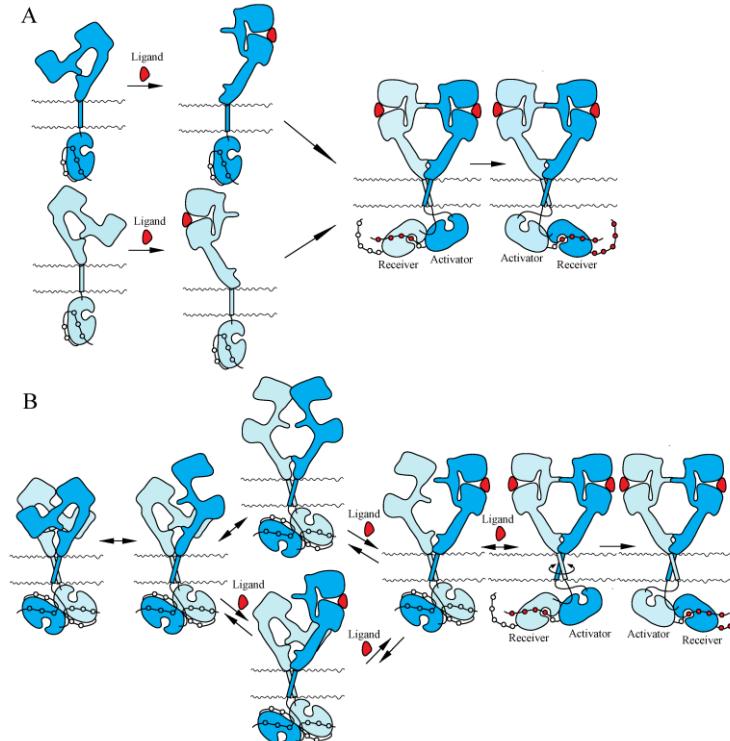
Tirozin kinazni receptorji - Biokemija

vezava liganda →
strukturalna spremembra →
aktivacija (prekinitve
avtoinhibicije)

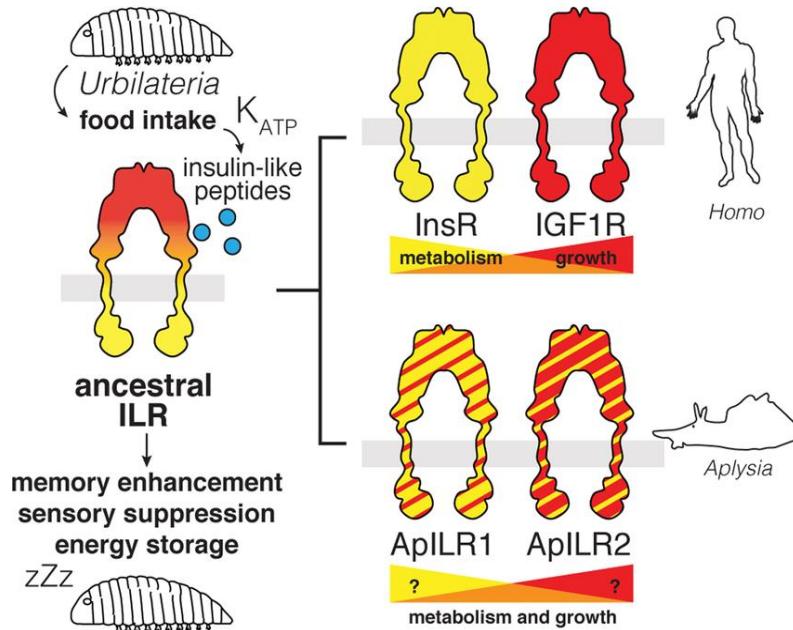
Nastane dimer ali pa je
že dimeriziran in se le
konformacijsko spremeni.

Pomembni regulatorni predeli:

- aktivacijska zanka
- vijačnica αC
- kinazni N-predel



Inzulinski receptor - Evolucija



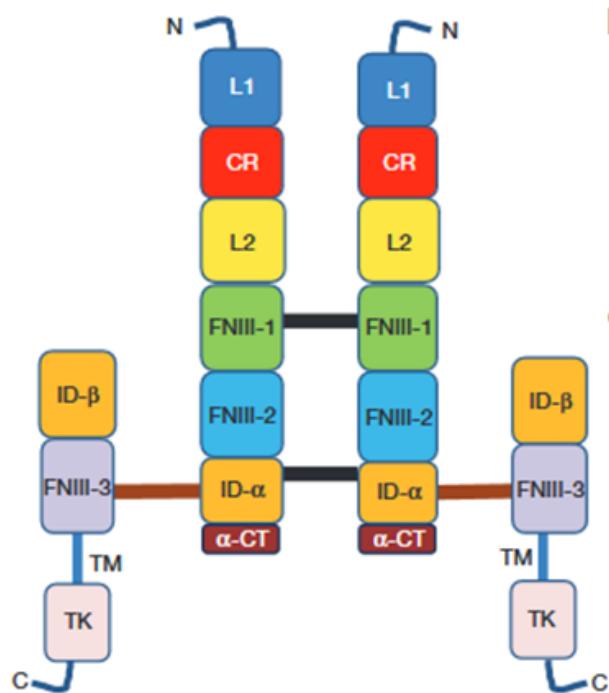
Vretenčarji:

- Inzulin in inzulinu podobni peptidi
- Štirje receptorji: IR, IGF1R (IGF2R, IRR)
 - Dve duplikaciji med evolucijo vretenčarjev

Nevretenčarji:

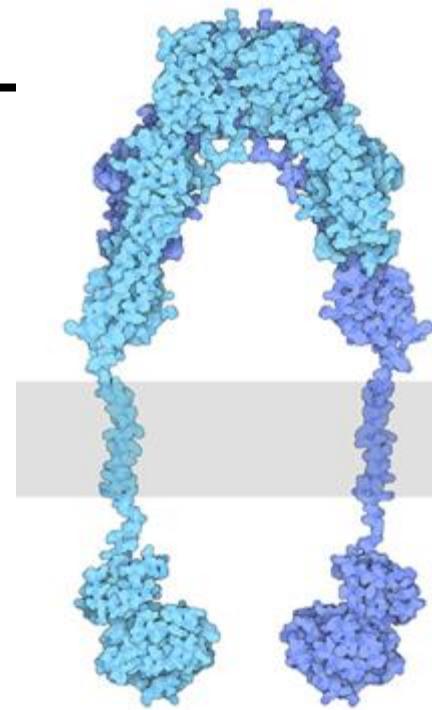
- več inzulinu podobnih peptidov
- en inzulinski receptor

Inzulinski receptor - Struktura



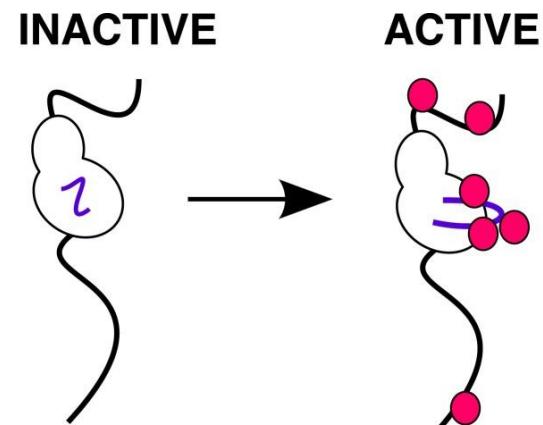
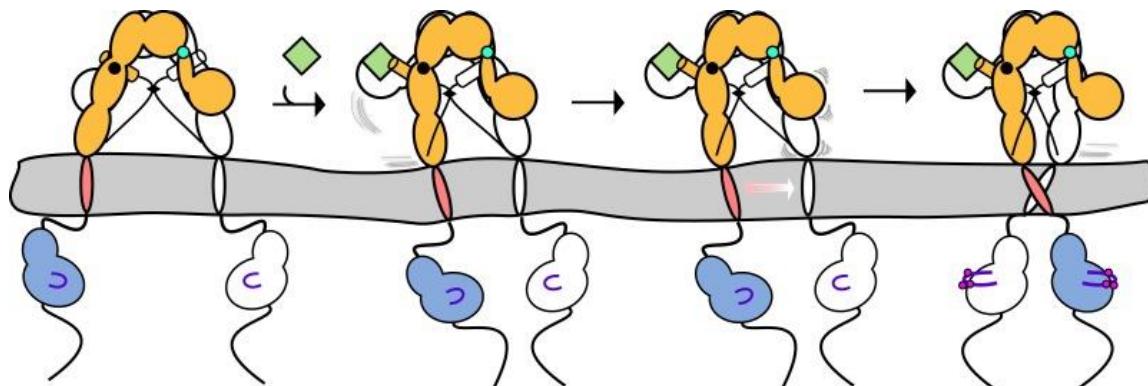
- A in B izooblici (12 ak na eksonu 11)
- $(\alpha\beta)_2$ dimer

- L1, L2 = levcin-bogate domene
- CR = cistein bogata domena
- FNIII = fibronektinska domena
- ID = insercijska domena
- α -CT = α -C-končna domena
- TK = tirozin kinazna domena



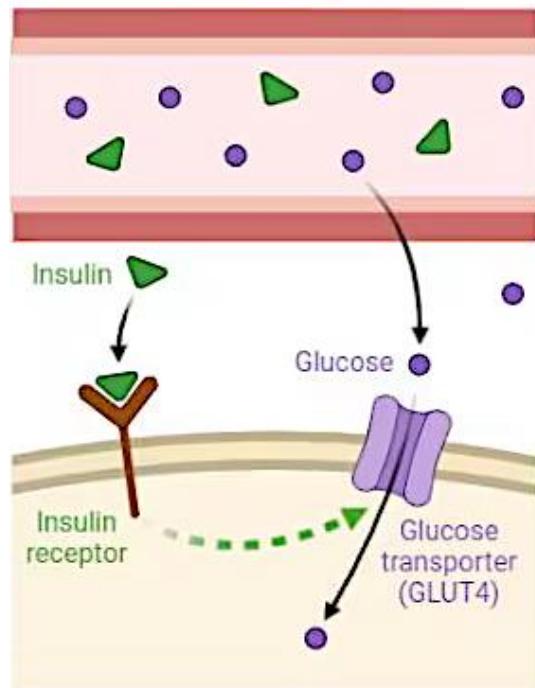
Inzulinski receptor - Biokemija

- avtoinhibicija z aktivacijsko zanko
- posredna vezava inzulina
- ob vezavi molekule inzulina se sproži rotacija in zbližanje TM domen
- autofosforilacija kinaznih domen
navzdoljšnje poti: PI3K, MAPK, ERK in druge



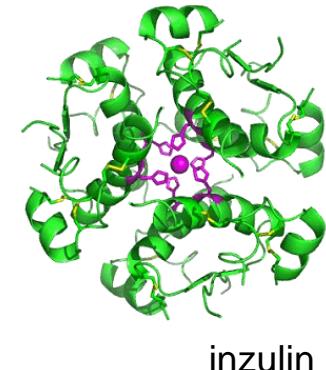
● PHOSPHORYLATION SITE
↷ ACTIVATION LOOP

Inzulinski receptor - Fiziologija



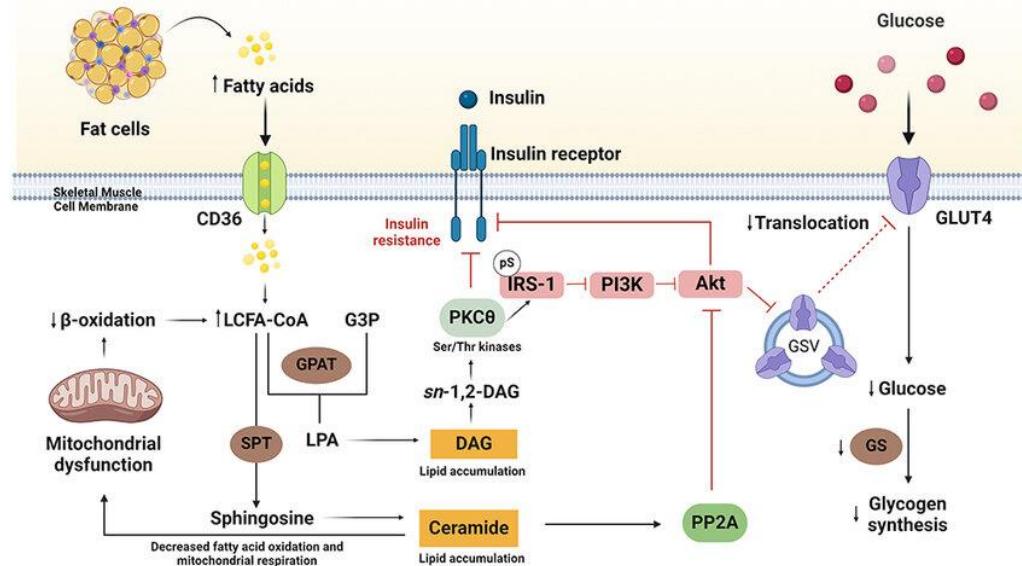
Fiziološke vloge inzulinskih receptorjev:

- uravnavanje količine **glukoze v krvi** (transporter GLUT4)
- regulacija metabolizma **ogljikovih hidratov** (sinteza glikogena)
- stimulacija **lipogeneze**
- stimulacija **sinteze proteinov**
- regulacija **apetita, učenja, spomina**
- protivneten učinek** (endotelijske celice, makrofagi)



inzulin

Inzulinski receptor - Patofiziologija



Sladkorna bolezen tipa 2

- Ustrezna vezava inzulina na receptor
- Spremenjena signalizacija po IR
 - Povečana Ser/Thr fosforilacija – posledica DAG
 - Inhibicija Akt preko PP2A- posledica ceramidov
- Ne pride do translokacije GLUT4
- Glukoza ne preide v celico
- Ostala bolezenska stanja, povezana z patofiziologijo IR: kardiovaskularna bolezen, sindrom policističnih jajčnikov (PCOS) in nealkoholna zamaščenost jeter